

骨髓提供希望登録者のHLA型遺伝子頻度(HLA-C)

| No. | Allele | GF(%) |
|-----|--------|--------|
| 1 | 01:02 | 17.262 |
| 2 | 01:03 | 0.340 |
| 3 | 01:17 | <0.001 |
| 4 | 01:43 | <0.001 |
| 5 | 01:55 | 0.004 |
| 6 | 01:64 | <0.001 |
| 7 | 02:02 | 0.036 |
| 8 | 02:10 | <0.001 |
| 9 | 03:02 | 0.669 |
| 10 | 03:03 | 13.995 |
| 11 | 03:04 | 12.172 |
| 12 | 03:17 | <0.001 |
| 13 | 03:23 | 0.024 |
| 14 | 03:26 | 0.001 |
| 15 | 03:28 | 0.003 |
| 16 | 03:29 | 0.002 |
| 17 | 03:34 | <0.001 |
| 18 | 03:35 | <0.001 |
| 19 | 03:40 | <0.001 |
| 20 | 03:43 | 0.004 |
| 21 | 03:49 | <0.001 |
| 22 | 03:55 | <0.001 |
| 23 | 03:64 | <0.001 |
| 24 | 03:97 | 0.001 |
| 25 | 03:98 | 0.001 |
| 26 | 03:99 | 0.001 |
| 27 | 03:164 | <0.001 |
| 28 | 03:196 | <0.001 |
| 29 | 04:01 | 4.337 |
| 30 | 04:03 | 0.015 |
| 31 | 04:06 | 0.001 |
| 32 | 04:33 | <0.001 |
| 33 | 04:36 | <0.001 |
| 34 | 04:111 | <0.001 |
| 35 | 05:01 | 0.401 |
| 36 | 06:02 | 0.822 |
| 37 | 06:06 | <0.001 |
| 38 | 07:01 | 0.065 |
| 39 | 07:02 | 12.695 |
| 40 | 07:04 | 1.000 |
| 41 | 07:29 | <0.001 |
| 42 | 07:37 | <0.001 |
| 43 | 07:39 | <0.001 |
| 44 | 07:51 | 0.001 |
| 45 | 08:01 | 7.325 |
| 46 | 08:02 | 0.019 |
| 47 | 08:03 | 1.460 |
| 48 | 08:22 | 0.001 |
| 49 | 08:39 | 0.001 |
| 50 | 08:58 | <0.001 |

| No. | Allele | GF(%) |
|-----|--------|--------|
| 51 | 08:59 | <0.001 |
| 52 | 08:66 | <0.001 |
| 53 | 12:02 | 10.875 |
| 54 | 12:03 | 0.094 |
| 55 | 12:04 | 0.001 |
| 56 | 12:18 | <0.001 |
| 57 | 12:49 | 0.001 |
| 58 | 12:84N | <0.001 |
| 59 | 12:85 | <0.001 |
| 60 | 14:02 | 6.821 |
| 61 | 14:03 | 6.407 |
| 62 | 14:06 | <0.001 |
| 63 | 14:10 | <0.001 |
| 64 | 14:22 | <0.001 |
| 65 | 14:35N | <0.001 |
| 66 | 14:45 | 0.001 |
| 67 | 14:53 | <0.001 |
| 68 | 14:54 | <0.001 |
| 69 | 15:02 | 3.101 |
| 70 | 15:04 | <0.001 |
| 71 | 15:05 | 0.017 |
| 72 | 15:10 | 0.005 |
| 73 | 15:17 | 0.001 |
| 74 | 15:42 | 0.001 |
| 75 | 15:43 | <0.001 |
| 76 | 16:01 | 0.004 |
| 77 | 16:02 | 0.003 |
| 78 | 16:04 | 0.001 |
| 79 | 17:01 | 0.003 |
| 80 | 18:01 | <0.001 |

N=254,380

- ・ HLAタイピングは、r-SSO法（蛍光ビーズ）およびSBT法を用いている。
- ・ 遺伝子頻度（GF）は、カウント法で算出した。
- ・ 遺伝子頻度算出に用いたAlleleは、日本で最も可能性の高いAlleleを用いている。