

骨髓提供希望登録者のHLA型遺伝子頻度(HLA-DRB1)

No.	Allele	GF(%)
1	01:01	5.629
2	01:02	0.005
3	01:03	0.001
4	01:20	<0.001
5	03:01	0.137
6	03:02	<0.001
7	04:01	1.041
8	04:02	0.001
9	04:03	3.142
10	04:04	0.194
11	04:05	13.397
12	04:06	3.302
13	04:07	0.503
14	04:08	0.002
15	04:09	0.003
16	04:10	2.127
17	04:11	0.001
18	04:13	<0.001
19	04:17	<0.001
20	04:20	<0.001
21	04:38	<0.001
22	04:46	<0.001
23	04:48	<0.001
24	04:57	0.001
25	04:59	<0.001
26	04:61	<0.001
27	04:68	<0.001
28	04:77	<0.001
29	04:80	<0.001
30	04:81N	<0.001
31	04:82	<0.001
32	04:107	<0.001
33	04:172	<0.001
34	07:01	0.357
35	08:01	0.005
36	08:02	4.310
37	08:03	7.934
38	08:04	<0.001
39	08:06	<0.001
40	08:07	<0.001
41	08:09	0.045
42	08:18	<0.001
43	08:23	0.004
44	08:30	<0.001
45	08:35	<0.001
46	08:38	<0.001
47	08:42	<0.001
48	09:01	14.520
49	09:02	<0.001
50	09:04	0.001

No.	Allele	GF(%)
51	09:17	<0.001
52	10:01	0.473
53	11:01	2.496
54	11:02	0.001
55	11:03	0.001
56	11:04	0.007
57	11:06	0.002
58	11:08	0.002
59	11:09	<0.001
60	11:11	<0.001
61	11:19	0.002
62	11:23	0.002
63	11:29	<0.001
64	11:82	<0.001
65	11:121	<0.001
66	12:01	3.690
67	12:02	1.672
68	12:05	0.005
69	12:10	<0.001
70	12:12	<0.001
71	12:35	<0.001
72	13:01	0.580
73	13:02	6.336
74	13:03	0.001
75	13:05	<0.001
76	13:07	0.021
77	13:12	0.003
78	13:29	<0.001
79	13:36	<0.001
80	13:47	<0.001
81	13:50	<0.001
82	14:02	0.027
83	14:03	1.625
84	14:04	0.005
85	14:05	2.144
86	14:06	1.561
87	14:07	0.105
88	14:10	<0.001
89	14:12	0.031
90	14:18	0.001
91	14:23	<0.001
92	14:25	<0.001
93	14:29	0.016
94	14:33	<0.001
95	14:38	<0.001
96	14:44	<0.001
97	14:45	0.003
98	14:54	3.496
99	14:80	<0.001
100	14:81	<0.001

骨髄提供希望登録者のHLA型遺伝子頻度(HLA-DRB1)

No.	Allele	GF(%)
101	14:103	<0.001
102	14:121	<0.001
103	15:01	7.951
104	15:02	10.248
105	15:03	<0.001
106	15:04	0.002
107	15:05	0.001
108	15:11	0.001
109	15:15	<0.001
110	15:28	<0.001
111	15:29	<0.001
112	15:30	<0.001
113	15:34	<0.001
114	15:69	<0.001
115	15:89	<0.001
116	16:01	0.002
117	16:02	0.813

N=429,881

- ・ HLAタイピングは、r-SSO法（蛍光ビーズ）およびSBT法を用いている。
- ・ 遺伝子頻度（GF）は、カウント法で算出した。
- ・ 遺伝子頻度算出に用いたAlleleは、日本で最も可能性の高いAlleleを用いている。